

INFORMATIONEN

20. Jahrestagung Molekulare Diagnostik, 20.-22. Mai 2026

Teilnahmegebühr für die Tagung: 160,00€*

Die Registrierungsgebühr umfasst den Zugang zum wissenschaftlichen Programm sowie zur Industrieausstellung, die Registrierungsunterlagen, die Pausenbewirtung lt. Programm (Mittagessen und Abendessen jeweils ohne Getränke) und die gesetzlich vorgeschriebene MwSt.

Begrenzte Teilnehmerzahl

Aufgrund der hohen Nachfrage empfehlen wir eine frühzeitige Anmeldung. Wir möchten Sie bitten, während aller Sitzungen der Tagung am 21. und 22.05.2026 anwesend zu sein.

Übernachtung in der Evangelischen Akademie

Die Buchung von Übernachtungen in der Akademie ist nur über die Online-Registrierung möglich!

Einzelzimmer ab 110,00 € pro Nacht inkl. Frühstück

Doppelzimmer ab 172,00 € pro Nacht inkl. Frühstück

Wissenschaftliches Programm

DGKL - Deutsche Gesellschaft für Klinische Chemie und Laboratoriumsmedizin e. V., Alt-Moabit 96a, 10559 Berlin

Organisation: Prof. Dr. D. Teupser, München

Sektionen:

Genomics: Prof. Dr. Stefan Holdenrieder, München
Dr. H.-G. Klein, Martinsried

Bioinformatik: Dr. Dr. C. Winter, München

NMR-Spektroskopie: Prof. Dr. Astrid Petersmann, Oldenburg,
Prof. Dr. Matthias Nauck, Greifswald

Biobanken: PD Dr. Dr. M. Kiehntopf, Jena

Proteomics/ Prof. Dr. U. Ceglarek, Leipzig,

Metabolomics: Prof. Dr. P. Findeisen, Mannheim

Klinische Prof. Dr. U. Ceglarek, Leipzig

Massenspektrometrie: PD Dr. Christoph Seger, St. Gallen

Veranstalter

EUROKONGRESS GmbH · Schleissheimerstr. 2 · 80333 München

Tel.: +49 (0)89 210 98 60 · dgkl@eurokongress.de

Fortbildungspunkte

Für den Besuch der Jahrestagung werden folgende Fortbildungspunkte von der Bayerische Landesärztekammer vergeben:

21. Mai 2026: 6 Punkte | 22. Mai 2026: 3 Punkte

*Informationen zu Stornierungsbedingungen und -gebühren finden Sie auf der Anmeldeseite.

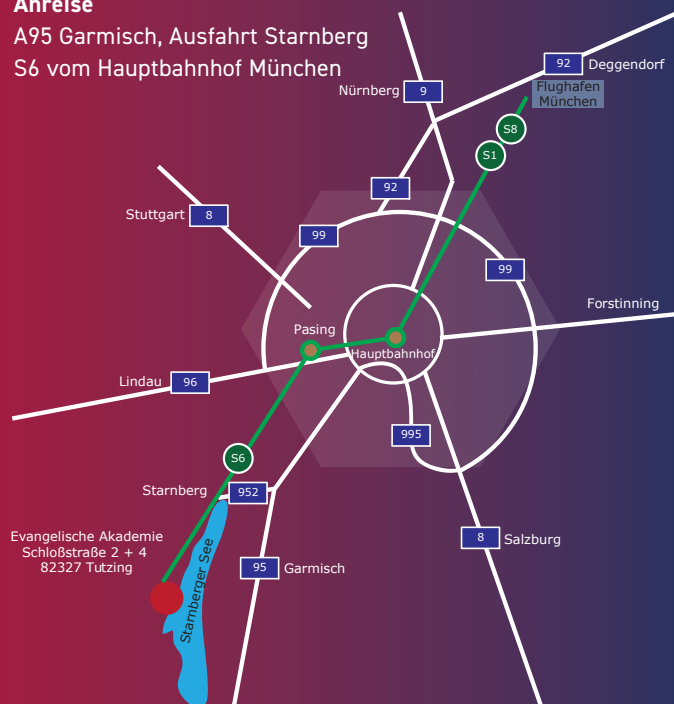
VERANSTALTUNGSORT

Evangelische Akademie Tutzing
Schloßstraße 2 + 4, 82327 Tutzing

Anreise

A95 Garmisch, Ausfahrt Starnberg

S6 vom Hauptbahnhof München



20. Jahrestagung Molekulare Diagnostik

„Labor trifft KI“

20.–22.
Mai 2026

Tutzing/
Starnberger
See

Unterstützer



Die aufgeführten Firmen haben die Veranstaltung mit 2.100 € unterstützt.
AZENTA und Biozym haben jeweils mit 1.050 € unterstützt.

Förderer



www.dgkl.de

Eine Veranstaltung der:

**Deutsche Gesellschaft für Klinische Chemie und
Laboratoriumsmedizin e. V.**

GRUSSWORT/EINLADUNG

Liebe Kolleginnen und Kollegen,

nach einem sehr erfolgreichem Neustart im vergangenen Jahr ist es mir eine große Freude, Sie heute zu einer Fortsetzung der Jahrestagungen der „Molekulare Diagnostik“ der DGKL begrüßen zu können.

Als Schwerpunkt haben wir das Thema „Labor trifft KI“ gewählt, das aus den Blickwinkeln der 5 Sektionen des Kompetenzfelds Molekulare Diagnostik (Genomics, Bioinformatik, NMR-Spektroskopie, Proteomics & Metabolomics, Klinische Massenspektrometrie) sowie der Sektion Biobanking der DGKL, beleuchtet wird.

Gemeinsam mit den Vorsitzenden der Sektionen ist es gelungen, exzellente Vortragende zu gewinnen und ein hochattraktives und aktuelles Programm zu gestalten. Die Keynote Lecture wird von Herrn Professor Frederick Klauschen, Lehrstuhlinhaber und Vorstand des Pathologischen Instituts der LMU München zum Thema „Pathologie Foundation Modelle - Einsatz für Krebsforschung und klinische Diagnostik“ gehalten.

Außerdem haben wir einen geführten Rundgang durch die Industrieausstellung vorgesehen, bei dem Sie die Möglichkeit haben, einen Überblick über die neuesten Geräte und Produkte auf dem Feld zu erhalten.

Ich freue mich sehr über Ihre Teilnahme und wünsche uns eine erfolgreiche Tagung.

Ihr

Prof. Dr. Daniel Teupser

Sprecher des Kompetenzfelds Molekulare Diagnostik der DGKL

PROGRAMM

Mittwoch 20. Mai 2026

18:30 Abendessen

19:30 Informelles Get-Together im Schloss

Donnerstag 21. Mai 2026

08:55 Begrüßung

Prof. Dr. med. Daniel Teupser, LMU München

Genomics

Vorsitz: Prof. Dr. med. Stefan Holdenrieder, Deutsches Herzzentrum München

09:00 Deciphering the non-coding genome with AI: Principles, successes, and limitations

Prof. Dr. Julien Gagneur, TU und Helmholtz Zentrum München

09:40 Systemarchitektur für eine umfassende Datenintegration

Dr. rer. nat. Steffen Lott, MVZ Martinsried GmbH, Medicovert, Martinsried

10:05 Interpreting Comprehensive Genomic Profiles for Clinical Decision-Making in Routine Molecular Diagnostics

Dr. Martina Cantone, Foundation Medicine GmbH, Penzberg

10:30 Kaffeepause

Bioinformatik

Vorsitz: Dr. med. Dr. rer. nat. Christof Winter, TU München

11:00 KI in der biomedizinischen Forschung und der Diagnostik von Bluterkrankungen

Prof. Dr. Carsten Marr, LMU und Helmholtz Zentrum München

11:30 Integration von KI in diagnostischen Workflows in der Hämatologie

Niroshan Nadarajah, MLL Münchner Leukämielabor

12:00 KI in der gynäkologischen Präzisionsonkologie

Dr. Natyra Tahiri, TUM Universitätsklinikum

12:30 Mittagessen

13:30 Geführter Rundgang durch die Industrieausstellung

Moderation: Dr. Hanns-Georg Klein, MVZ Martinsried GmbH, Medicovert, Martinsried

Proteomics/Metabolomics

Vorsitz: Prof. Dr. med. Peter Findeisen, Labor Limbach, Heidelberg

14:30 Maschinelles Lernen für die Diagnostik von Hämoglobinopathien

Dr. Alexander Lenard, MVZ Labor Dr. Limbach, Heidelberg

15:00 Auswertestrategien für multimodale -omics Datensätze: Von der Datenintegration zur klinischen Interpretation

Prof. Dr. Alexander Leichtle, Universitätsklinikum Augsburg

15:30 C-COMPASS: a user-friendly neural network tool profiles cell compartments at protein and lipid levels

Dr. Natalie Kraemer, Helmholtz Zentrum München

16:00 Social Program

18:00 Abendessen

Keynote Lecture

Vorsitz: Prof. Dr. med. Daniel Teupser, LMU München

19:30 Pathologie Foundation Modelle

– Einsatz für Krebsforschung und klinische Diagnostik

Prof. Dr. med. Dipl. Phys. Frederick Klauschen, LMU München

20:30 Get-Together im Schloss

Freitag 22. Mai 2026

Klinische Massenspektrometrie und Biobanken

Vorsitz: PD Dr. rer. nat. Christoph Seger

09:00 Ansätze zum vollständig automatisierten MS-MRD Workflow unter Verwendung von dia-PASEF und Bioinformatik
Dr. Christoph Krisp, MDC-Bruker Center of Excellence for Single Cell Omics, Berlin

09:30 Diagnostische Inferenz als Ziel: Adaptives maschinelles Lernen trifft Plasma-Proteomik im Biobank-Maßstab
Dr. rer. nat. Johannes Müller-Reif, MPI für Biochemie, Martinsried

10:00 Effizientes und innovatives Biobanking
Prof. Dr. Matthias Nauck, Universitätsmedizin Greifswald

10:30 Kaffeepause

NMR-Spektroskopie

Vorsitz: Prof. Dr. med. Astrid Petersmann, Universitätsklinikum Oldenburg

11:00 KI in NMR. Identification and beyond
Dr. Daniel Rosenkranz, Universitätsmedizin Oldenburg

11:30 Maschinelles Lernen ermöglicht ein schnelles NMR-Profilierung der Akute-Phase-Glykosylierung im Blut mit hohem diagnostischem Potenzial
PD Dr. Alvaro Mallagaray, Universität Lübeck

12:00 Metabolomisches Profiling zur Früherkennung und Risikostratifizierung des Typ-2-Diabetes
Dr. Diana Drettwan, lifespin GmbH, Regensburg

12:15 NMR Metabolomics in disease risk assessment – Clinical use cases from Europe and Asia
Kimmo Aro, Nightingale Health, Helsinki, Finnland

12:30 Abreise der Tagungsteilnehmerinnen und Tagungsteilnehmer

SAVE THE DATE:

21. JAHRESTAGUNG MOLEKULARE DIAGNOSTIK
02.–04. Juni 2027

Stand: 15.05.2026